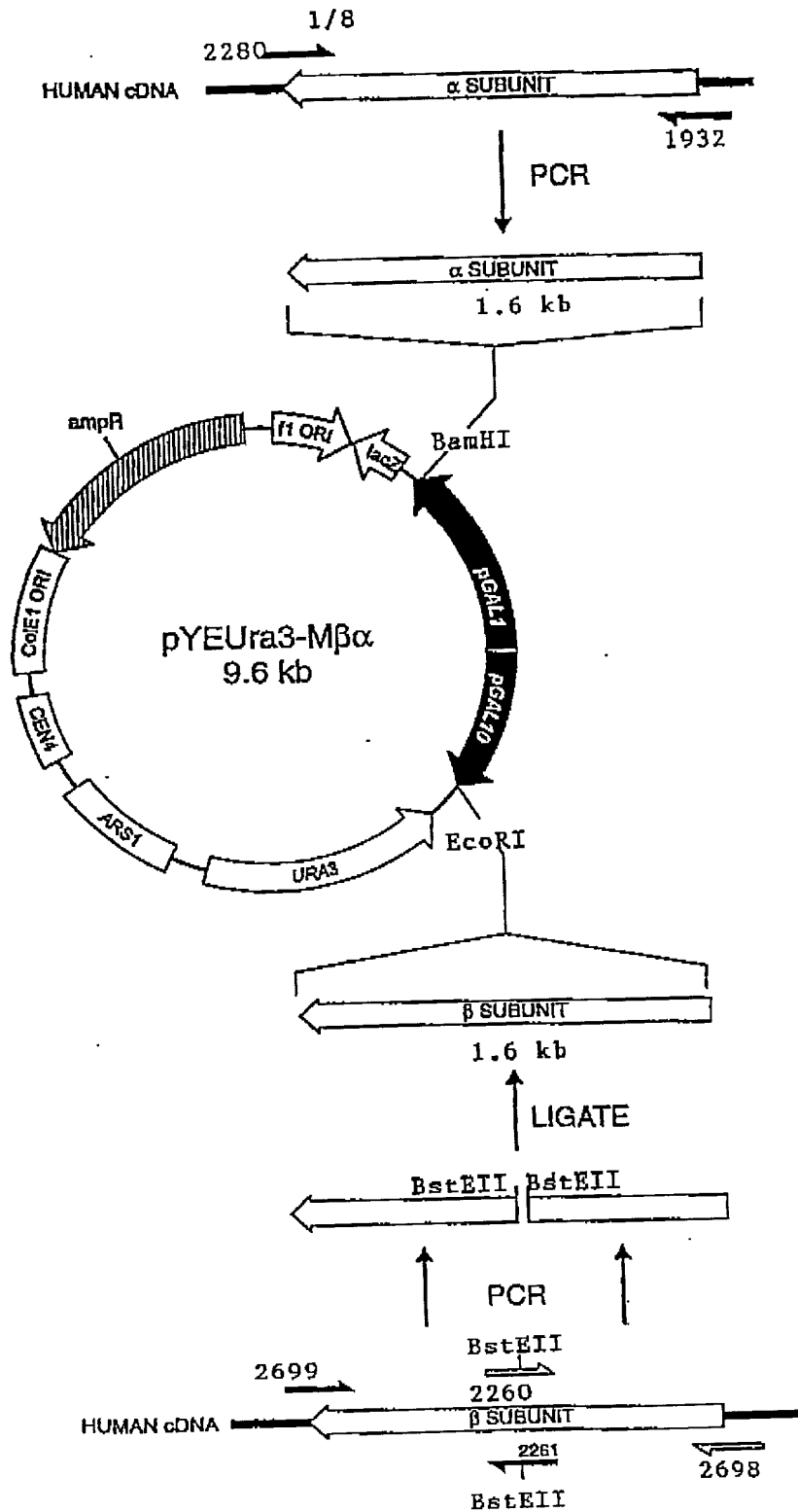


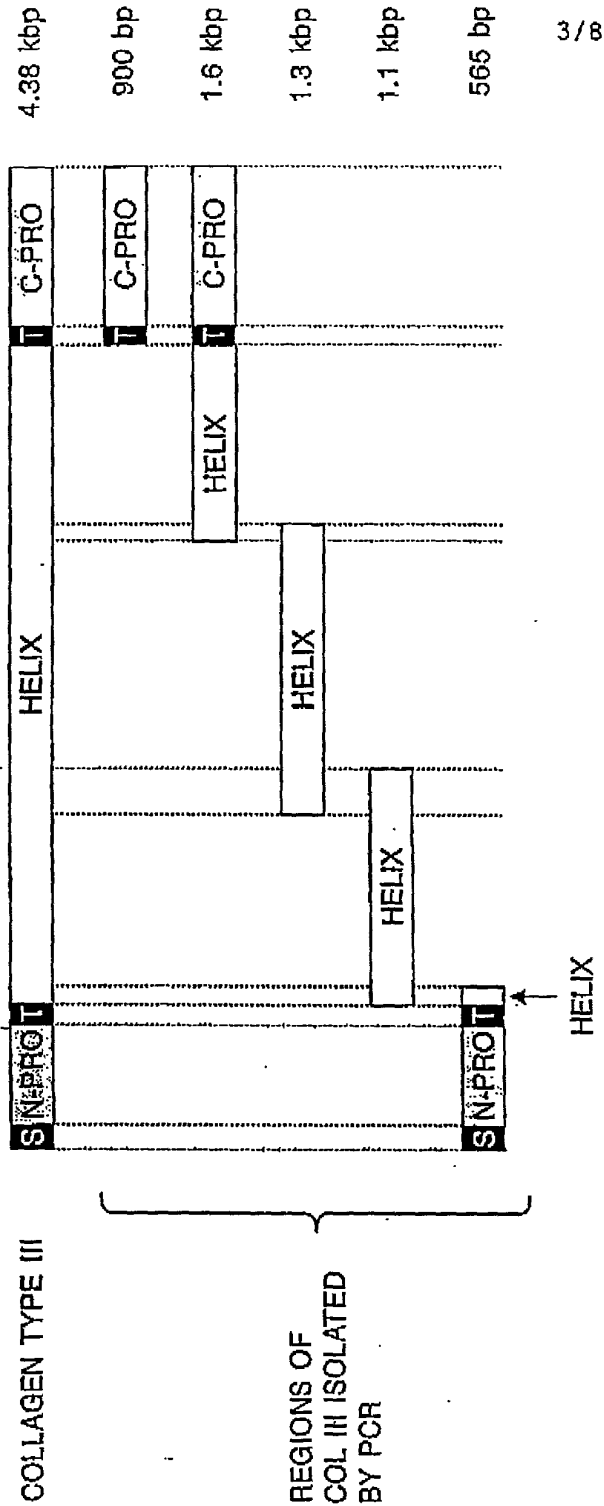
FIGURE 1



2/8

Figure 2

1 CCAGGCCAC TTGGGATTGC TGGGATCACT GGAGCACGGG GTCTTGCAGG ACCACCAGGC
61 ATGCCAGGTC CTAGGGGAAG CCCTGGCCCT CAGGGTGTCA AGGGTGAAAG TGGGAAACCA
121 GGAGCTAACG GTCTCAGTGG AGAACGTGGT CCCCCTGGAC CCCAGGGTCT TCCTGGTCTG
181 GCTGGTACAG CTGGTGAACC TGGAGAGAT GGAAACCCTG GATCAGATGG TCTTCCAGGT
241 CGAGATGGAT CTCCTGGTGG CAAGGGTGAT CGTGGTGAAA ATGGCTCTCC TGGTGCCCTT
301 GGCCTCCTG GTCATCCAGG CCCACCTGGT CCTGTGGTC CAGCTGGAAA GAGTGGTGAC
361 AGAGGAGAAA GTGGCCCTGC TGGCCCTGCT GGTGCTCCCG GTCTGTCTGG TTCCCGAGGT
421 GCTCCTGGTC CTCAGGCC ACCTGGTGAC AAAGGTGAAA CAGGTGAACG TGGAGCTGCT
481 GGCATCAAAG GACATOGAGG ATTCCCTGGT AATCCAGGTG CCCAGGGTTC TCCAGGCCCT
541 GCTGGTCAGC AGGGTGCAAT CGGCAGTCCA GGACCTGCAG GCCCCAGAGG ACCGTGTGGA
601 CCCAGTGGAC CTCCTGGCAA AGATGGAACC AGTGGACATC CAGGTCCCAT TGGACCACCA
661 GGGCCTCGAG GTAACAGAGG TGAAGAGGA TCTGAGGGCT CCCAGGCCA CCCAGGCCA
721 CCAGGCCCTC CTGGACCTCC TGGTGCCCTT GGTCTTGTCT GCGGTGGTGT TGGAGCCGCT
781 GCCATTGCTG GGATTGGAGG TGAAGAGCT GCGGGTTTG CCCGTATTA TGGACCTGAA
841 CCAATGGATT TCAAAATCAA CACCGATGAG ATTATCACTT CACTCAAGTC TGTAAATGGA
901 CAAATAGAAA GCCTCATTAG TCCTGATGGT TCTCGTAAA ACCCCGCTAG AAATGCGAGA
961 GACCTGAAAT TCTGCCATCC TGAATCAAG ACTGGAGAAT ACTGGGTGGA CCTAACCA
1021 GGATGCAAT TGGATGCTAT CAAGGTATTC TGTAATATGG AAATCGGGA AACATGCATA
1081 AGTGCCAATC CTTTGAATGT TCCACGGAAG CACTGGTGGA CAGATTCTAG TGCTGAGAAG
1141 AAACACGTTT GGTGGGAGA GTCCATCGAT GGTGGTTTTC AGTTTAGCTA CGGCAATCCT
1201 GAACTTCCTG AAGATGTCTT TGATGTGAG CTGGCATTC CTGCACTTCT CTCCAGCCGA
1261 GCTTCCGAGA ACATCACATA TCATGCAAAA AATAGCATTC CATACTGGA TCAGGCCAGT
1321 GGAAATGTAA AGAAGCCCTT GAAGCTGATG GGTCAAATG AAGGTGAATT CAAGGCTGAA
1381 GGAAATAGCA AATTCACCTA CACAGTCTG GAGGATGGTT GCACGAAACA CACTGGGGA
1441 TGGAGCAAAA CAGTCTTTGA ATATCGAACA CGCAAGGCTG TGAGACTACC TATTGTAGAT
1501 ATTGCACCTT ATGACATTGG TGGTCTGAT CAAGAATTG GTGTGGACGT TGGCCCTGTT
1561 TGCTTTTAT AA



KEY: S, signal peptide; N-PRO, N-terminal propeptide T, telopeptide;
C-PRO, C-terminal propeptide; kbp, kilobase pairs; bp, base pairs.

4/8

FIGURE 4

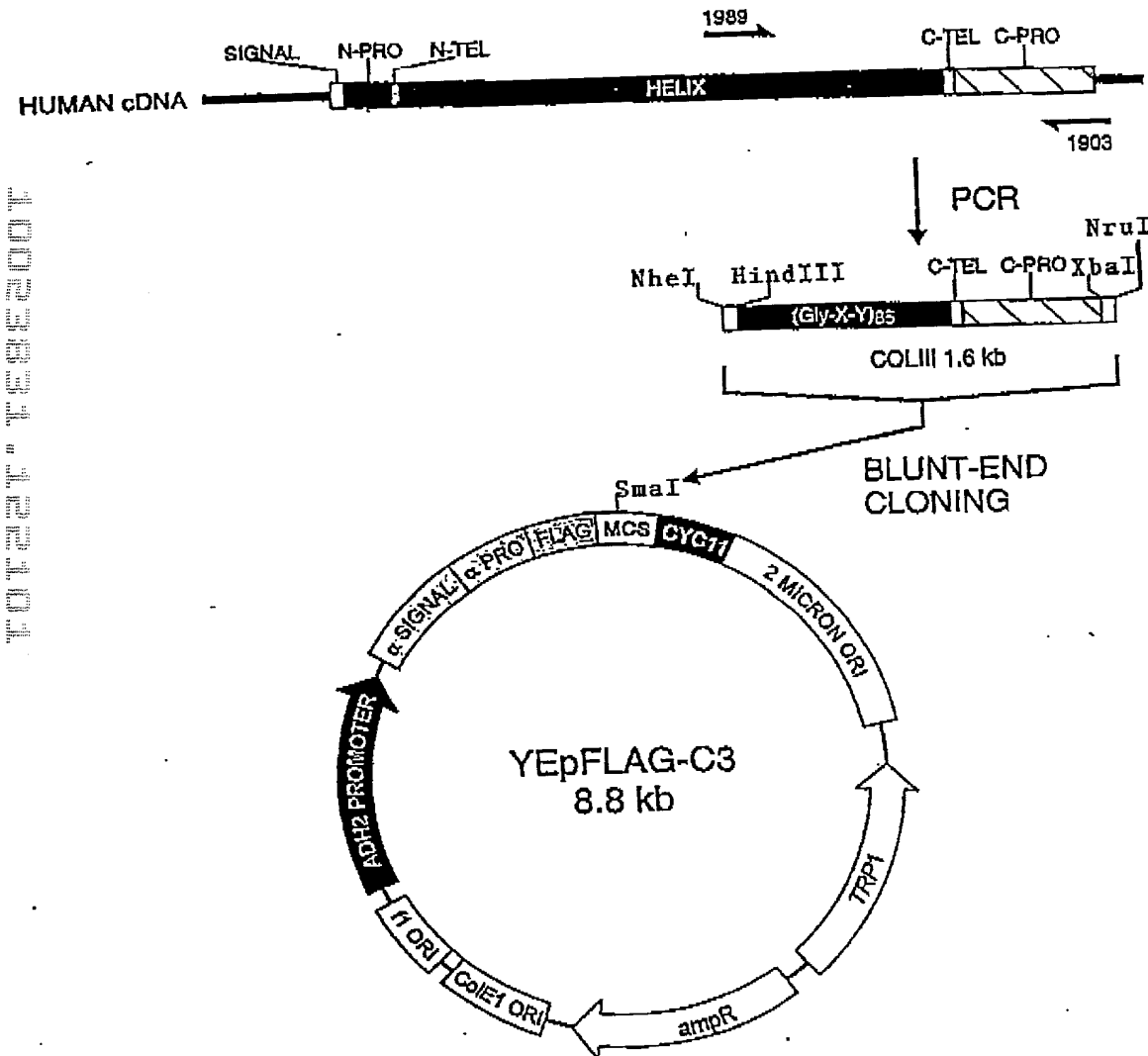
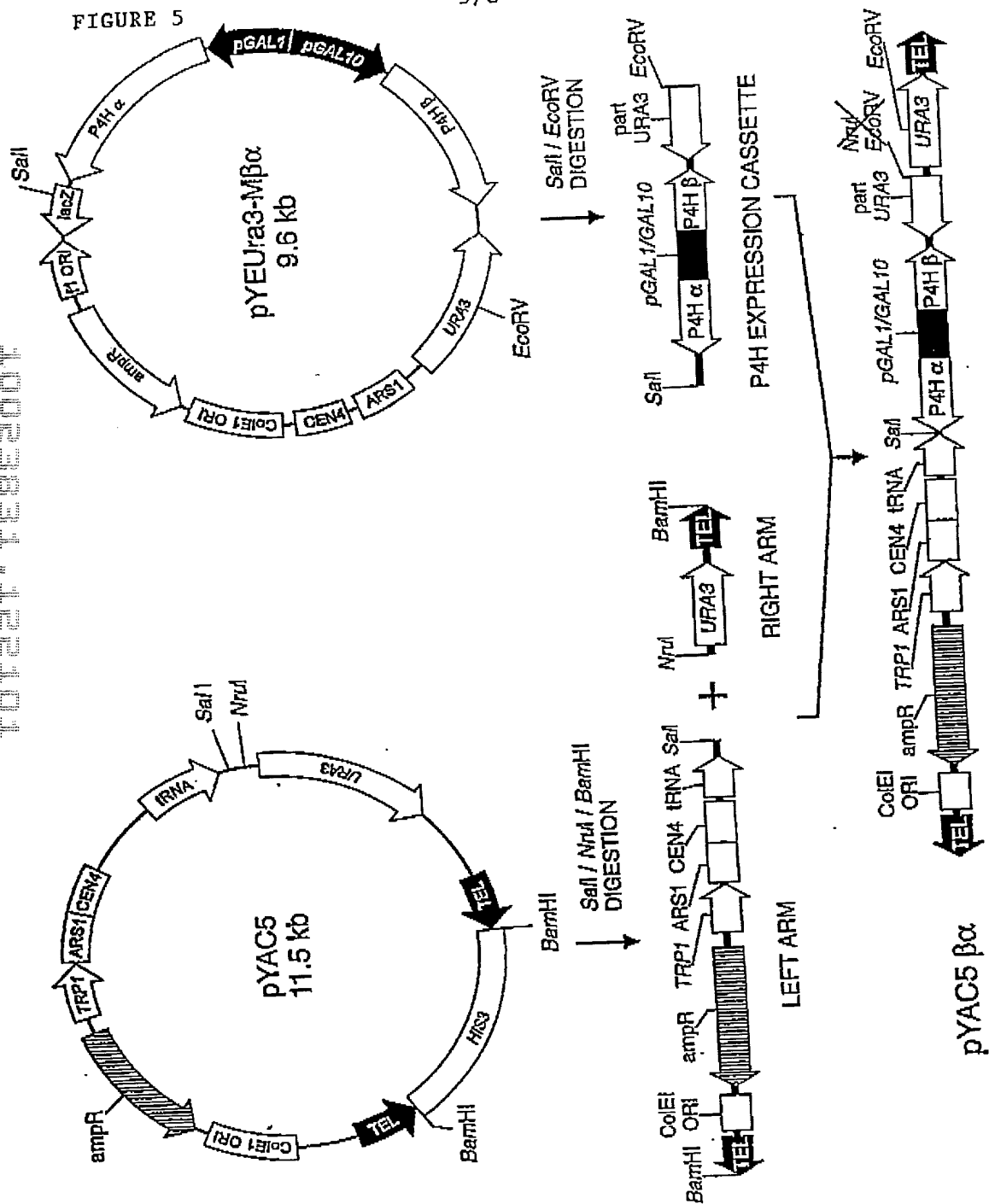
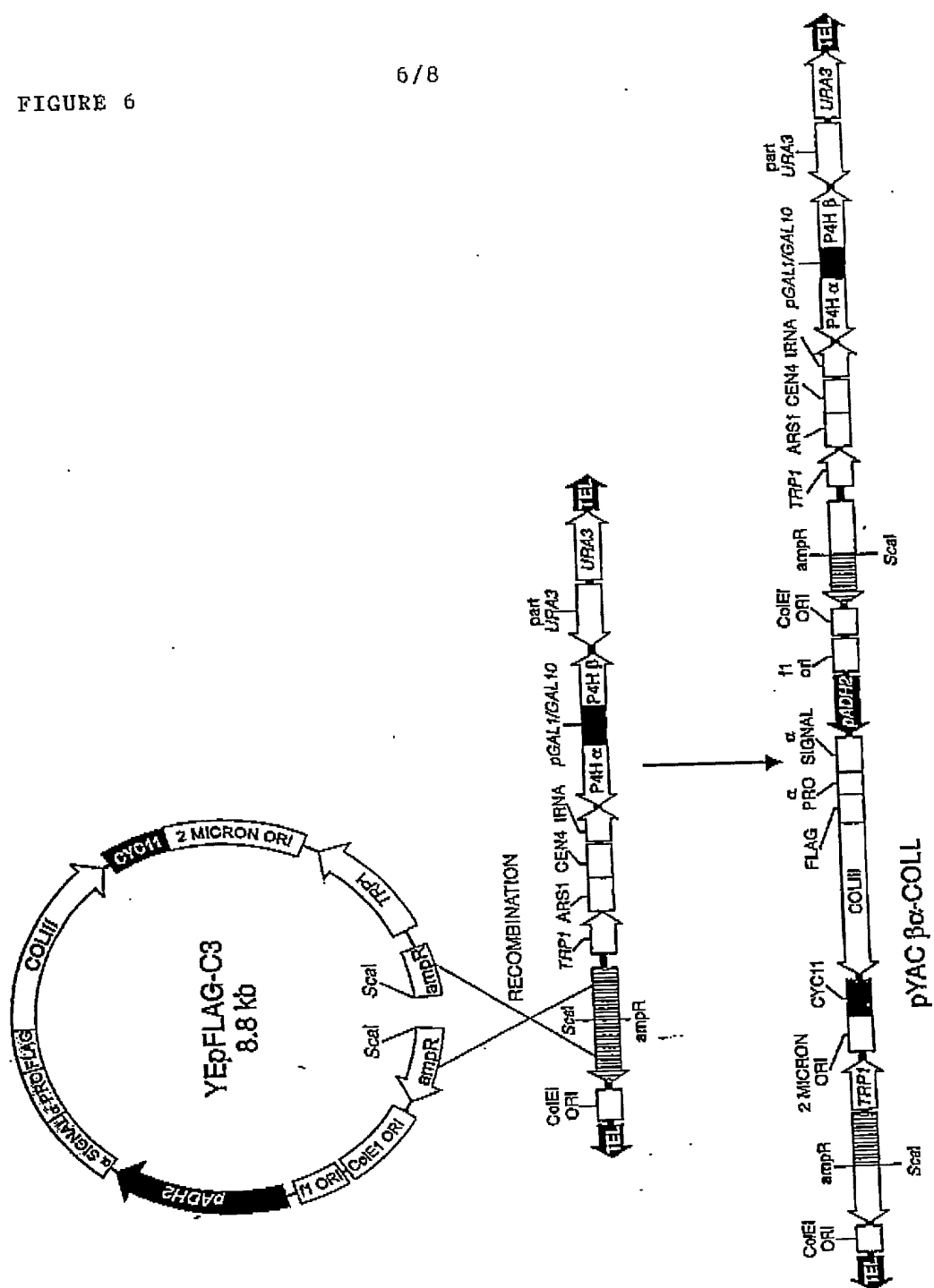


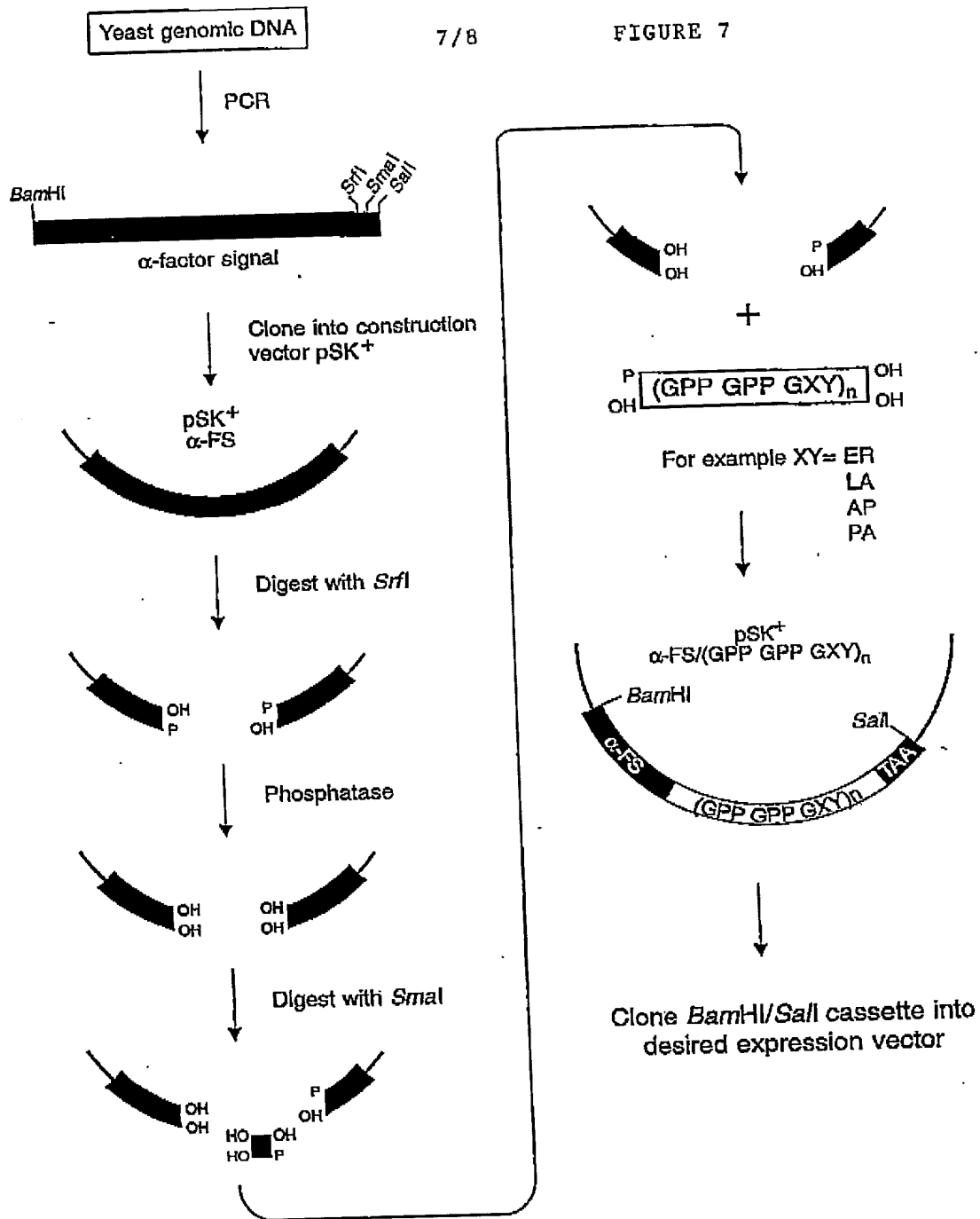
FIGURE 5





7/8

FIGURE 7



EcoRI

1 G AATTCATG GGTGCTCCAG GTGCTCCAGG TGGTAAGGGT GACGCTGGTG CTCCAGGTGA
N S M G A P G A P G G K G D A G A P G E

61 AAGAGGTCCA CCAGGTTTGG CTGGTGCTCC AGGTTTGAGA GGTGGTGCTG GTCCACCAGG
 R G P P G L A G A P G L R G G A G P P G

Esp120I

121 TCCAGAAGGT GGTAAAGGGTG CTGCTGGTCC ACCAGGTCCA CCAGGTGGGC CCGGTGGTAA
P E G G K G A A G P P G P P G G P G G K

181 GGGTGACGCT GGTGCTCCAG GTGAAAGAGG TCCACCAGGT TTGGCTGGTG CTCCAGGTTT
G D A G A P G E R G P F G L A G A P G L

241 GAGAGGTGGT GCTGGTCCAC CAGGTCCAGA AGGTGGTAAG GGTGCTGCTG GTCCACCAGG
R G G A G P F G P E G G K G A A G P P G

301 BSRHII
TCCACCAGGT GCGCGCGGTG GTAAGGGTGA CGTGGTGCT CCAGGTGAAA GAGGTCCACC
P P G A R G G K G D A G A P G E R G P P

361 AGGTTTGGCT GGTGCTCCAG GTTTGAGAGG TGGTGCTGGT CCACCAGGTC CAGAAGGTGG
G L A G A P G L R G G A G P P G P E G G

421 TAAGGGTGCT GCTGGTCCAC CAGGTCCACC AGGTCCACCA GGTCCACCAG GTTGTGTGTGG
K G A A G P P G P P G P P G C C G

481 XhoI SacII NheI
TCTCGAGGGT CCGCGGGGCT AGC
L E G F R G -

[illegible]